

SID



ابزارهای پژوهش



سرویس ترجمه تخصصی



کارگاه‌های آموزشی



بلاگ مرکز اطلاعات علمی



سامانه ویراستاری STES



فیلم‌های آموزشی

سامانه ویراستاری (ویرایش متون فارسی، انگلیسی، عربی)

۴۰ درصد تخفیف نوروزی ویژه کارگاه‌ها و فیلم‌های آموزشی



روش تحقیق کمی

روش تحقیق کمی



آموزش مهارت‌های کاربردی در تدوین و چاپ مقالات ISI

آموزش مهارت‌های کاربردی در تدوین و چاپ مقالات ISI



آموزش نرم افزار Word برای پژوهشگران

آموزش نرم افزار Word برای پژوهشگران

بررسی رفتار سینوزنتیکی در چند رقم یونجه (Medicago sativa)

گلناز رفیعی، منصور امیدی، مصطفی ولی‌زاده، بهرام باغبان، محمود خسروشاهی.

به ترتیب: دانشجوی کارشناسی ارشد دانشگاه تبریز، استادیار دانشگاه تهران، استاد و استادیار و دانشیار دانشگاه تبریز.

مقدمه

استفاده از کروموزومها به منظور طبقه بندی گیاهان و کمک به حل مسائل و مشکلات تاکسونومی حتی کلاسیک می تواند مفید واقع شود. به نژاد گر با اطلاعاتی که از مطالعات سینوزنتیکی به دست می آورد به راحتی تصمیم می گیرد که در یک برنامه تلاقی بین گونه ای از کدام گونه ها استفاده نماید تا نتایج بارور تولید کند و یا اینکه کدام کروموزوم گیاه واجد ژن دلخواه است (2). نقش عمومی سینوزنتیک عبارت است از فراهم کردن اطلاعات کمی روی تاریخچه تکاملی گیاه. بررسی های سینوزنتیکی و تعیین مشخصات آن قرابت های گونه ای و غیره مطالعات سینوزنتیکی اطلاعات وسیعی را در مورد ساختار ژنتیکی گیاهان زراعی برای تحقیقات آتی در اصلاح نباتات مفید واقع می گردند وجود اختلاف در شکل و اندازه کروموزومها و نیز رفتار آنها طی مراحل تقسیم میوز می تواند بیانگر وجود اختلافات ژنتیکی باشد (2). مطالعات کاربوتیپی به منظور مقایسه اختلاف موجود بین افراد یک گروه و آشکار شدن سیر تکاملی تغییرات در کروموزومهای تشکیل دهنده ژنوم انجام می گیرد (2). به منظور بررسی رفتار سینوزنتیکی، ویژگیهای کاربوتیپی و ریخت شناسی کروموزومی، کروموزومها مورد مطالعه قرار گرفت و کاربوتیپی استاندارد گونه ها تهیه شد. گزارشهای متفاوت در مورد تعداد کروموزومها در گونه های مختلف جنس مدیکاگو وجود دارد. این اختلاف نظر ها بیشتر به علت عدم تشخیص صحیح نمونه ها و یا شمارش ماهواره های بزرگ به عنوان کروموزومهای جداگانه بوجود آمده است. کلمنت¹ شباهت ظاهری ماهواره های بزرگ به کروموزومها را نشان داده است (3). احتمال دارد که وجود B کروموزومها نیز باعث چنین اختلاف نظری باشد (6). تا آنجا که مشهود است *M. murex* تنها گونه ای است که جوامعی با $2n=14$ و $2n=16$ دارد (9). گاهی اوقات گیاهان پلی پلوئید در جوامع دیپلوئید یافت می شوند. احتمالاً مضاعف شدن خود به خود کروموزومها تحت شرایط طبیعی اتفاق می افتد و پلی پلوئیدهای حاصل زنده می مانند آگاهی از سطح پلوئیدی در برنامه های دو رگ گیری دارای اهمیت فراوانی است معمولاً چنانچه رده ها در یک سطح پلوئیدی باشند. با سهولت بیشتری آمیزش می پذیرند. موارد استثنائی نیز دیده شده است که آمیزش پذیری در سطوح نا برابر پلوئیدی موفقیت آمیز تر بوده است (8).

مواد و روش ها:

به منظور بررسی کروموزومهای میتوزی از نوک ریشه² بذر تازه جوانه زده ارقام بو نجه استفاده شد. با توجه به اینکه واکنش گونه های مختلف گیاهی به تکنیکهای مواد سینتو لوژیکی متفاوت است جهت دستیابی به سلولهای متافازی، انجام آزمایشهای مختلف جهت شناسایی بهترین تکنیک سینتولوژیکی ضرورت دارد. در این بررسی جهت دستیابی به سلولهای متافازی، تکنیکها و روشهای زیر آزمایش و اجرا شدند که به ترتیب ذکر می گردند. جهت سبز شدن بذر ارقام مختلف، بذرها ابتدا به مدت 15 دقیقه در محلول 10 درصد هیپوکلریت سدیم ضد عفونی شدند و پس از شستشوی کامل آنها با آب مقطر در پتری دیش محتوی کاغذ صافی مرطوب تا زمان سبز شدن قرار داده شدند.

1-2-پیش تیمار

در این تحقیق از ترکیبات کلشی سین، پارا دی کلرو بنزن و 8 هیدروکسی کینولین مناسب تشخیص داده شد.

3-3-تثبیت

در این بررسی، جوانه های ریشه دوزخ خارج شدن از مواد پیش تیماری، کاملاً با آب مقطر بمدت پنج دقیقه شستشو داده شده و سپس در محلول کارنوی به مدت 24 ساعت قرار داده شدند.

3-2-نگهداری

ریشه ها را پس از خروج از محلول تثبیت کننده با آب مقطر کاملاً شسته و آب اضافه را با کاغذ خشک کن گرفته سپس بلافاصله در الکل 70 درصد قرار داده شد و در دمای چهارتا پنج درجه سانتیگراد در یخچال تا زمان استفاده نگهداری شدند. در صورتی که نیازی به نگهداری کروموزومها نباشد می توان این مرحله را حذف و بلافاصله پس از مرحله تثبیت کروموزومها را مطالعه کرد.

3-4-هیدرولیز

پس از خارج کردن ریشه ها از محلول الکل 70 درصد یا محلول تثبیت کننده و پنج بار شستشو با آب در ماده هیدرولیز کننده اسید کلریدریک نرمال و در دمای 60 درجه سانتیگراد به مدت یک دقیقه قرار داده شدند.

3-5-رنگ آمیزی

مطالعه شکل و ساختمان کروموزومها از طریق مشاهده میکروسکوپی و با استفاده از محلولها و روشهای خاص رنگ آمیزی امکان پذیر است. برای این منظور جوانه ها بعد از هیدرولیز از اسید کلریدریک خارج شده و به طور کامل

1 - Clement

2 -Root Tip

شستشو داده شده و بعد از آبگیری توسط کاغذ خشک کن، جهت رنگ آمیزی و تهیه اسلاید آماده می شوند. رنگ آمیزی با اورسئین استیک مناسب تشخیص داده شد.

3-6- له کردن

انتهای مریسمتی ریشه روی لام قرار گرفتند و بعد از اضافه کردن یک قطره رنگ، بافت توسط سوزن خرد شد. سپس یک لامل روی آن قرار شد و توسط شینی مانند انتهای خودکار، چند ضربه آهسته (بطوریکه لامل حرکت نکند) روی لامل وارد شد. این عمل باعث جدا شدن سلولها از یکدیگر شده و سلولهای کاملاً در یک سطح قرار می گیرند. علاوه برآن لازم است که، زمینه لام کاملاً تهیه شده و نمونه تهیه شد.

نتایج و بحث:

در بررسیهای کاربوتیبی که بر روی سه رقم یونجه شامل رقمهای قره یونجه، رنجر و واریته سنتتیک صورت گرفت مشاهده شد که سطح پلئیدی در تمام این ارقام تتراپلوئید $2n=4x=32$ و عدد پایه کروموزومی $x=8$ بود. این نتایج با یافته های لدینهام و ژولن دال (7) بر تتراپلوئید بودن یونجه مطابقت داشت. در تمام ارقام مورد مطالعه یک سری همیولوگ کروموزوم ماهواره دار مشاهده گردید. همچنین در تمام ارقام مورد مطالعه کروموزومهای ماهواره دار بزرگترین کروموزومها یعنی کروموزوم سری یک بود (البته با احتساب طول ماهواره). محل قرار گرفتن ماهواره ها در تمام ارقام روی بازوی کوچک کروموزومهای مذکور بود. طول ماهواره ها بین 0/5 تا 0/53 میکرون در ارقام مختلف متفاوت بود. مشاهده می شود که طول کوتاهترین کروموزوم 2/45 میکرون مربوط به رقم رنجر و طول بلندترین کروموزوم 4/3 میکرون بود که متعلق به رقم قره یونجه بود. همچنین بیشترین میانگین طول برای کروموزومها 3/59 میکرون مربوط به رقم رنجر و کمترین میانگین 3/36 میکرون متعلق به رقم قره یونجه بود. بنابر این متوسط اختلاف بین کوتاهترین و بلندترین کروموزوم برای تمام ارقام در حدود 0/23 میکرون بود. این نتایج با نتایج فریر، هیمن، سیمون و لسینز (7، 6، 5، 4، 10) مبنی بر اینکه میانگین طول کروموزومها در اکثر یافته هابزرگتر از سه میکرون بود، مطابقت داشت. بخش دیگری از بررسیهای کاربوتیبی مربوط به آنالیز واریانس می باشد که بر روی دو فاکتور کروموزوم و ژنوتیپ در یک آزمایش فاکتوریل در قالب طرح کاملاً تصادفی انجام شد. نتایج این بررسیها در جدول 1-2 آورده شده اند. همانطور که در این جدول ملاحظه می شود بین ارقام مختلف و کروموزومهای مختلف و همچنین اثر متقابل کروموزوم \times رقم تفاوتی معنی دار در سطح 1% مشاهده می شود یعنی در ارقام مختلف افزایش یا کاهش در طول کروموزومها صورت گرفته است. همچنین در جداول 1-3 و 1-4 خلاصه نتایج مقایسه میانگین بین ژنوتیپها و مقایسه میانگین بین کروموزومها در سطح 1% آمده اند. کاربوتیبی مربوط به رقم رنجر دارای بیشترین طول کروماتین بود و در گروه a قرار گرفت و ارقام سنتتیک و قره یونجه هر دو در گروه b قرار گرفتند. همچنین ملاحظه شد تفاوت در اندازه کروموزوم معنی دار بود. در ارقام مورد مطالعه به غیر از کروموزوم 1 در هر رقم که از نوع ماهواره دار و ساب تلوسانتزیک بود سایر کروموزومها از نوع متاسانتزیک و ساب متاسانتزیک بودند.

جدول 1-1- خلاصه نتایج کاربوتیبی

رقم	طول کوتاهترین کروموزوم	طول بلندترین کروموزوم	میانگین طول کروموزوم در رقم	میانگین طول ماهواره
رنجر	2/49	4/16	3/59	0/ 5
قره یونجه	2/45	4/3	3/36	0/5
سنتتیک	2/62	4/27	3/37	0/53

جدول 1-2- تجزیه واریانس بررسی سیتوزنتیکی

F	میانگین مربعات	مجموع مربعات	درجه آزادی	منابع تغییر
44/3387 **	2/672	18/706	7	کروموزوم
7/7556 **	0/467	0/935	2	رقم
3/0581 **	0/184	2/580	14	کروموزوم × رقم
	0/060	2/772	46	خطا

* معنی دار در سطح احتمال 5 درصد
n.s اختلاف غیرمعنی دار

جدول 1-3- جدول مقایسه میانگین بین ارقام مختلف یونجه از نظر طول کروموزوم بر حسب میکرون
ارقام میانگین

a	3/588	رنجر
b	3/370	قره یونجه
b	3/327	سننتیک
LSD=0/013988324		S _x = 0/00499583

جدول 1-4 – جدول مقایسه میانگین بین کروموزومها از نظر طول بر حسب میکرون

	میانگین	کروموزوم
a	4/244	1
b	3/876	2
bc	3/734	3
cd	3/476	4
cd	3/417	5
de	3/231	6
e	2/930	7
f	2/518	8

منابع:

- 1- رضایی، ع. (1372). به نژادی یونجه. مرکز نشر دانشگاه تهران.
- 2- شیدایی، م. (1374). جزوه درسی سیتوزنتیک. دانشگاه شهید بهشتی.
- 3-Atwood,S.S., and P.Gurn .(1951). Cytogeneticsof alfalfa. Bibliogr. Genet.14:133-188.
- 4-Feryer,J.P.(1930).Cytological studies in *Medicago Mellilotus* and *Tigonena*.Amer.J.Bot. 33: 465-492.
- 5-Giliies,C.B (1970). Alfalfa chromosome.I. Pachytene karyotype of a diploid *Medicago falcata* L. and its relationship to *M.sativa* L.Crop Sci.10:169-171.
- 6-Heyn,C.(1965).Some chromosome counts in the genus *Medicago*.Carylogia 9:160-165.
7. Lee,M and R.L.Phillips.(1977). Genetic variation in progeny of regenerated maiz plants. Genome 29: 834-835.
8. Lesiens,k., and I.Lesiens (1961).Some little-known medicago species and their chromosome complements. Can.J.Genet.Cytol. 3:7-9.
- 9.-Lesins,K., and I.Lesins(1979).Genus *Medicago* (Leguminosae): A taxogenetic study.W.Junk Publishers,The Hague,Netherlands,P.228.10. Wenzel. G.L. and D.C.W Brown.. 1991.
- 10-Simon,J.P.(1965). Some aspects of the relationship in annual species of *Medicago*. Can.J.Genet.Cytol. 16: 51-60.

SID



ابزارهای پژوهش



سرویس ترجمه تخصصی



کارگاه‌های آموزشی



بلاگ مرکز اطلاعات علمی



سامانه ویراستاری STES



فیلم‌های آموزشی

سامانه ویراستاری (ویرایش متون فارسی، انگلیسی، عربی)

۴۰ درصد تخفیف نوروزی ویژه کارگاه‌ها و فیلم‌های آموزشی



روش تحقیق کمی

روش تحقیق کمی



آموزش مهارت‌های کاربردی در تدوین و چاپ مقالات ISI

آموزش مهارت‌های کاربردی در تدوین و چاپ مقالات ISI



آموزش نرم افزار Word برای پژوهشگران

آموزش نرم افزار Word برای پژوهشگران