

SID



سرویس های ویژه



سرویس ترجمه تخصصی



کارگاه های آموزشی



بلاگ مرکز اطلاعات علمی



سامانه ویراستاری STES



فیلم های آموزشی

کارگاه های آموزشی مرکز اطلاعات علمی جهاد دانشگاهی

دوره ترمین

کارگاه آنلاین
بررسی مقابله ای متون (مقدماتی)

دوره ترمین

کارگاه آنلاین
پروپوزال نویسی و پایان نامه نویسی

دوره ترمین

کارگاه آنلاین آشنایی با پایگاه های اطلاعات علمی بین المللی و ترند های جستجو



بررسی تنوع آلی *VRN-A1* در برخی از گندم‌های نان ایرانی

مریم فروغ^۱، خلیل زینلی نژاد^۲، سعید نواب پور^۲، محمد هادی پهلوانی^۲، مسعود سلطانی نجف آبادی^۳

- ۱- دانشجوی کارشناسی ارشد بیوتکنولوژی در کشاورزی، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی گرگان
mf_ariana@yahoo.com
- ۲- عضو هیئت علمی گروه اصلاح نباتات و بیوتکنولوژی دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی گرگان
- ۳- عضو هیئت علمی موسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر کرج- بخش تحقیقات دانه‌های روغنی

چکیده:

یکی از مهم‌ترین فاکتورهای تعیین کننده زمان گلدهی، نیاز بهاره سازی است. نیاز بهاره سازی، نیاز به فرار گرفتن به دمای پایین برای تسریع گلدهی در بهار است و در گندم با ژن *VRN1* کنترل می‌شود. بر اساس نیاز بهاره سازی، ژنوتیپ‌های گندم به دو دسته بهاره (دارای آل غالب) و زمستانه (دارای آل مغلوب) تقسیم می‌شوند. در این تحقیق تنوع آلی مکان ژنی *VRN-A1* در ۳۴ ژنوتیپ از گندم‌های نان ایرانی بررسی شد و گندم بهاره چینی به عنوان ژنوتیپ کنترل در نظر گرفته شد. برای اینکار از سه جفت آغازگر آل اختصاصی که چهار نوع آل *Vrn-A1a*، *Vrn-A1b*، *Vrn-A1c* و *vrn-A1* را نشان می‌دهند، استفاده شد. تنوع آلی در سطح *VRN-A1* نشان داد که ۵ ژنوتیپ دارای آل *Vrn-A1a* و ۵ ژنوتیپ نیز دارای آل *Vrn-A1b* بودند. ۲۵ ژنوتیپ آل مغلوب *vrn-A1* نشان دادند. در نهایت در هیچ یک از این ژنوتیپ‌ها آل *Vrn-A1c* مشاهده نشد. ژنوتیپ‌هایی که آل مغلوب را نشان دادند با توجه به بهاره بودنشان احتمالاً در دیگر مکان‌های ژنی *VRNBI* و *VRND1* دارای آل‌های غالب باشند.

کلمات کلیدی: گندم نان، بهاره‌سازی، تنوع آلی، *VRN-A1*

مقدمه:

نیاز بهاره‌سازی یا نیاز سرمایی عاملی بر القای گلدهی در بسیاری از غلات نواحی معتدل شامل برخی ارقام گندم، جو، یولاف و چاودار می‌باشد. این گروه از غلات زمانی که بدون پیش تیمار سرمادهی رشد کنند برای مدت طولانی‌تری به حالت رویشی باقی مانده و یا هرگز وارد فاز زایشی نمی‌گردند. لذا در آنها سرما عاملی جهت تسریع عبور به فاز زایشی است (۲). بر اساس نیاز بهاره سازی گندم به دو دسته زمستانه و بهاره تقسیم می‌شود. در گندم ژن‌های *VRN-A1*، *VRN-B1* و *VRN-D1* که بر روی بازوی بزرگ کروموزوم‌های همولوگ 5A، 5B و 5D قرار دارند، مسول تنظیم ژنتیکی نیاز بهاره‌سازی هستند. بررسی تنوع آلی به دنبال تعیین آل‌ها بر مبنای ژنوتیپ است که اطلاعات حیاتی محسوب می‌شود.

مواد و روش‌ها:

بذر ۲۷ ژنوتیپ گندم نان بهاره ایرانی به همراه بذر گندم بهاره چینی (جدول ۱) از بانک ژن موسسه تحقیقات ژنتیک گیاهی (IPK) واقع در کشور آلمان و ۷ ژنوتیپ از ارقام اصلاح شده ایرانی از موسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر کرج دریافت شد. پس از کاشت این ژنوتیپ‌ها در مزرعه‌ی تحقیقاتی شماره یک دانشگاه علوم کشاورزی گرگان، برگ گیاهان در مرحله پنجه زنی بمنظور استخراج DNA برداشت شد.



اولین کنگره بین المللی
و سیزدهمین کنگره ملی علوم زراعت و اصلاح نباتات
و سومین همایش علوم و تکنولوژی بذر
1st International and
13th Iranian Crop Science Congress
3rd Iranian Seed science and Technology Conference



جدول ۱: اسامی ژنوتیب‌های گندم مورد مطالعه.

1- ATRI60051	7- ATRI5956	13- ATRI6038	19- ATRI5504	25- ATRI5621	کویر- 31
2- ATRI5989	8- ATRI5970	14- ATRI5947	20- ATRI5942	26- ATRI5881	پشتاز- 32
3- ATRI5975	9- ATRI5627	15- ATRI6095	21- ATRI6197	27- چینی بهاره-	33- سرخ تخم
4- ATRI6172	10- ATRI5743	16- ATRI5485	22- ATRI5727	28- مروارید-	34- بیستون
5- ATRI 6190	11- ATRI6047	17- ATRI5557	23- ATRI6030	29- قدس-	35- هیرمند
6- ATRI 5961	12- ATRI5980	18- ATRI5945	24- ATRI6064	30- روشن-	

سپس واکنش زنجیره‌ای پلی‌مرز برای هر یک از آغازگرها با تفاوت در دمای اتصال آغازگرها و زمان بسط انجام شد. محصولات حاصل بر روی ژل آگارز ۱/۵ درصد بار گذاری شدند و الکتروفورز بمدت ۱۲۰ دقیقه با ولتاژ ۱۲۰ ولت و با بافر TBE 0/5X انجام شد و آشکار سازی نوار ها به کمک اتیدیوم بروماید و با استفاده از دستگاه ژل داکيومنت انجام شد.

جدول ۲: آغازگرهای مورد استفاده و پارامتر های PCR. اطلاعات بر اساس زنگ و همکاران (۲۰۰۸) می باشد.

مکان ژنی	آلل	نام آغازگرها	توالی آغازگرها	اندازه باندها bp	دمای اتصال (درجه سانتی گراد)	زمان بسط
<i>Vrn-A1</i>	<i>Vrn-Ala</i>	VRN1AF VRN1-INT1R	GAAAGGAAAAATTCTGCTCG GCAGGAAATCGAAATCGAAG	۹۶۵+ ۸۷۶ ۷۱۴	۵۰	۱ دقیقه
	<i>Vrn-Alb</i>			۷۳۴		
	<i>Vrn-Alc</i>			۷۳۴		
	<i>vrn-A1</i>			۷۳۴		
<i>Vrn-A1c</i>	<i>Vrn-A1c</i>	Intr1/A/F2 Intr1/A/R3	AGCTCCACGGTTTGAAAGTAA AAGTAAGACAACACGAATGTGAG A	۱۱۷۰	۵۶	۱ دقیقه و ۵ ثانیه
	<i>vrn-A1</i>	Intr1/C/F Intr1/AB/R	GCACTCCTAACCCACTAACC TCATCCATCATCAAGGCAAA	۱۰۶۸		۵۸

جدول (۳) برنامه‌ی واکنش زنجیره‌ای برای نشانگرهای آلل اختصاصی *VRN-A1*.

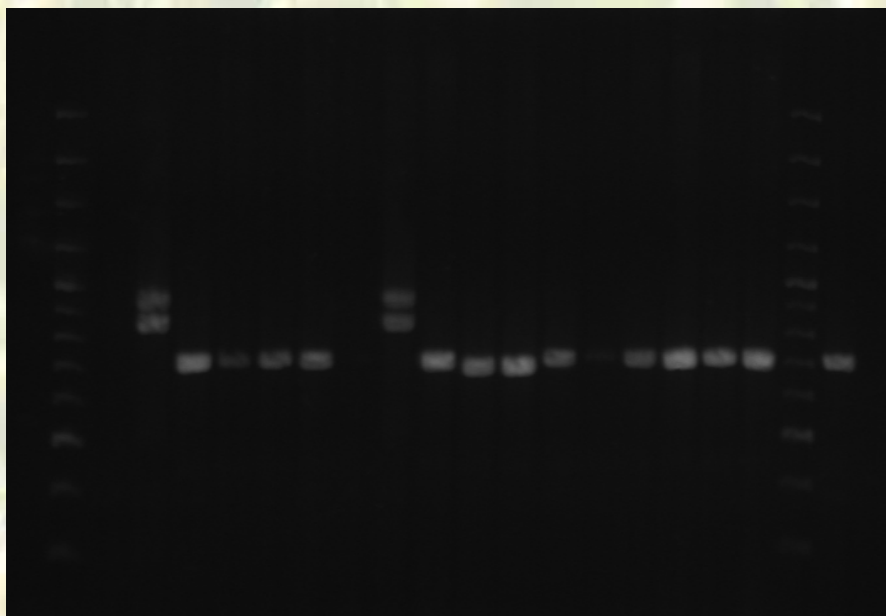
مرحله اول	واشرشت سازی اولیه	۹۴ درجه سانتی‌گراد	۱۰ دقیقه
مرحله دوم	واشرشت سازی	۹۴ درجه سانتی‌گراد	۴۵ ثانیه
مرحله سوم	اتصال	دمای مناسب	۱ دقیقه
مرحله چهارم	ستز و بسط	۷۲ درجه سانتی‌گراد	مدت زمان مناسب
مرحله پنجم	چرخه	تکرار مراحل ۲-۴ برای ۳۸ چرخه	
مرحله ششم	بسط نهایی	۷۲ درجه سانتی‌گراد	۵ دقیقه
مرحله هفتم	نگهداری	۴ درجه سانتی‌گراد	۱ ساعت



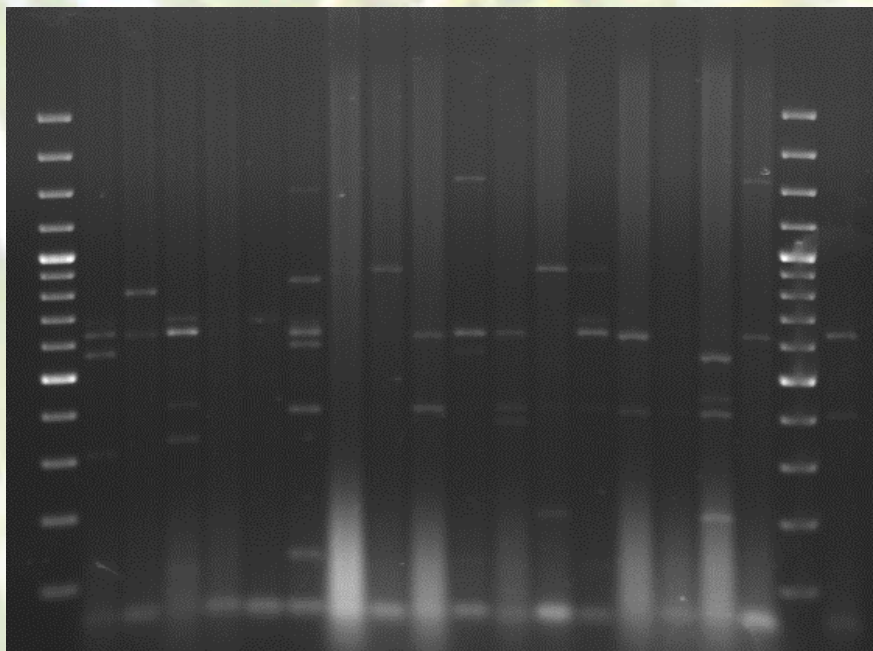
نتایج و بحث:

ابتدا وجود آلل غالب در این مکان ژنی مورد بررسی قرار گرفت. برای این امر از جفت آغازگر VRN1AF و VRN1-INT1R برای ناحیه پروموتوری *VRN-A1* استفاده شد. باندهای مورد انتظار برای این جفت آغازگر در اندازه‌های ۸۷۶+۹۶۵، ۷۳۴ و ۷۱۴ است و نتایج (شکل ۱) به شرح زیر می‌باشد:

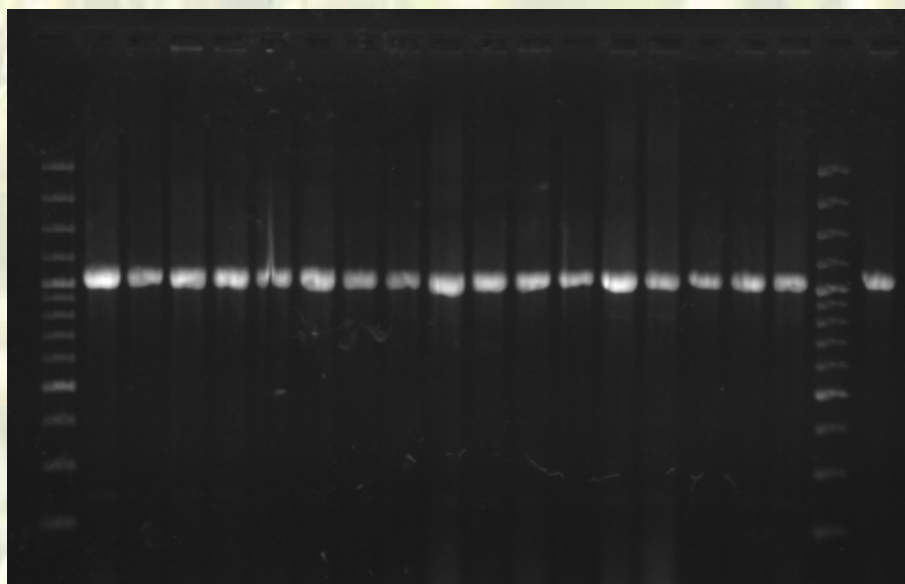
۵ ژنوتیپ به شماره‌های ۳۱، ۱۱، ۲۹، ۲۰ و ۲۶ دو باند با اندازه‌های ۸۷۶+۹۶۵ را نشان دادند که نشان می‌دهد دارای آلل غالب *Vrn-A1a* در این مکان ژنی بودند. ژنوتیپ‌های ۲۱، ۳۵، ۳۴، ۱۳، ۱۵ احتمال داده شد که دارای باند ۷۱۴ باشند و آلل غالب *Vrn-A1b* را دارند. در نتایج زنگ و همکاران (۲۰۰۸) هشت ژنوتیپ از ۲۷۸ ژنوتیپ باند ۷۱۴ bp را داشتند. سه ژنوتیپ با این آغازگر باندی را تکثیر نکردند که نیازمند مطالعات دقیق‌تر می‌باشد. ۲۵ ژنوتیپی که باند ۷۳۴ را نشان دادند برای تفکیک بین دو آلل *Vrn-A1c* و *vrn-A1* از جفت آغازگرهای دوم و سوم استفاده شد. نتایج پی‌سی‌آر با آغازگر دوم مورد نظر ۱۱۷۰ را نشان نداد و بیانگر این بود که هیچ یک از این ۲۵ ژنوتیپ آلل غالب *Vrn-A1c* را ندارند. در تحقیق زنگ و همکاران (۲۰۰۸) هم ژنوتیپ کنترل گندم بهاره چینی هم فاقد باند بود در حالیکه نتایج پی‌سی‌آر با آغازگر سوم (شکل ۲) برای ۲۵ ژنوتیپ باند ۱۰۶۸ را نشان داد و مویید این نتیجه بود که آلل مغلوب *vrn-A1* را این ژنوتیپ‌ها دارند اما در نهایت این نتیجه حاصل شد که با توجه به بهاره بودن گندم‌های مورد مطالعه باید در مکان ژنی *VRNBI* و *VRND1* این ژنوتیپ‌ها، آلل غالب وجود داشته باشد.



شکل (۱): الگوی نوار بندی حاصل از PCR با استفاده از جفت آغازگر VRN1AF و VRN1-INT1R با اندازه باندهای ۸۷۶+۹۶۵، ۷۳۴، ۷۳۴ و ۷۱۴.



شکل (۲): الگوی نوار بندی حاصل از PCR با استفاده از جفت آغازگر *Intr1/A/R3* و *Intr1/A/F2* با اندازه باند ۱۱۷۰bp.



شکل (۳): الگوی نوار بندی حاصل از PCR برای جفت آغازگر *Intr1/AB/R* و *Intr1/C/F* با اندازه باند ۱۰۶۸bp.

منابع:

1- Zhang, X. K. Y. G. Xiao, Y. Zhang, X. C. Xia, J. Dubcovsky, and Z. H. He. 2008. Allelic variation at the vernalization genes *Vrn-A1*, *Vrn-B1*, *Vrn-D1*, and *Vrn-B3* in Chinese wheat cultivars and their association with growth habit, *Crop Science*. 48,458-470.

2- Trevaskis, B., Hemming, N.M., Dennis, E.S. and Peacock, W.J. 2007. The molecular basis of vernalization-induced flowering in cereals, *Plant Science* 12, 8- 6.

Allelic variation of *VRN- A1* gene in Iranian bread wheats

Maryam Forough, Khalil Zaynali Nezhad, Saeid Navabpour, Mohammad Hadi Pahlavani, Masood Soltani Najafabadi



Abstract:

One of the most important factors determining wheat flowering time is vernalization. Vernalization, the requirement of exposure to low temperature to accelerate flowering in spring, is mainly regulated by vernalization gene *VRN1*. Based on vernalization requirement wheat genotypes are divided into two groups: winter (recessive allele) and spring (dominant allele) types. The current investigate was conducted to evaluate allelic variation among 34 wheat genotypes from Iranian wheats and Chinese spring as a control genotype. To detect allelic variation at loci *Vrn- A1*, allele specific markers were used. Three allele specific marker were used and four kind of alleles *Vrn- A1a*, *Vrn- A1b*, *Vrn- A1c* and *vrn-A1* were detected. Allelic variation at *VRN-A1* showed 5 genotypes had *Vrn-A1a* and 5 genotype had *Vrn- A1b* alleles. 25 genotype had *vrn- A1*. At last none of genotypes had *Vrn- A1c* allele. These 25 genotypes due to spring habit of them, it is possible in other locuses *VRNAB1* and *VRND1* have dominant alleles.

Key words: Bread wheat, Vernalization, Allelic variation, *VRN-A1*

SID



سرویس های ویژه



سرویس ترجمه تخصصی



کارگاه های آموزشی



بلاگ مرکز اطلاعات علمی



سامانه ویراستاری STES



فیلم های آموزشی

کارگاه های آموزشی مرکز اطلاعات علمی جهاد دانشگاهی

توجه: بررسی مقاله ای متون (مقدماتی)

کارگاه آنلاین
بررسی مقابله ای متون (مقدماتی)

PROPOSAL
پروپوزال

توجه: پروپوزال نویسی و پایان نامه نویسی

کارگاه آنلاین
پروپوزال نویسی و پایان نامه نویسی

ISI
Scopus

توجه: آشنایی با پایگاه های اطلاعات علمی بین المللی و ترند های جستجو

کارگاه آنلاین آشنایی با پایگاه های اطلاعات علمی بین المللی و ترند های جستجو